

Animation StatOmique

25 octobre 2022

J. Aubert, C. Hennequet-Antier, M.-A. Dillies

StatOmique

StatOmique est fondé sur le **partage d'expérience** autour de l'analyse statistique de **données omiques**.

Il rassemble une communauté recouvrant des profils allant de la **conception de méthodes** au **développement d'outils** jusqu'à l'**analyse** et l'interprétation des données.

Journées ou demi-journées à thème (deux à quatre par an) qui abordent à la fois les données et les méthodes développées spécifiquement pour leur traitement, afin de mieux comprendre les intérêts et limites de ces dernières.

 <https://statomique.netlify.app/>

Groupe de travail soutenu par le gdr de BioInformatique Moléculaire



En quelques dates

- **janvier 2008** : naissance de StatOmique en marge de la conférence SMPGD à Rennes
- 27 mai 2008 : première journée d'animation
- 2011-2012 : mise en place d'ateliers
- **2013**

A comprehensive evaluation of normalization methods for Illumina high-throughput RNA sequencing data analysis

Marie-Agnès Dillies, Andrea Rau, Julie Aubert, Christelle Hennequet-Antier, Marine Jeanmougin, Nicolas Servant, Céline Keime, Guillemette Marot, David Castel, Jordi Estelle, Gregory Guernec, Bernd Jagla, Luc Jouneau, Denis Laloë, Caroline Le Gall, Brigitte Schaeffer, Stéphane Le Crom, Mickaël Guedj, Florence Jaffrézic on behalf of The French StatOmique Consortium
Author Notes

Briefings in Bioinformatics, Volume 14, Issue 6, November 2013, Pages 671–683,
<https://doi.org/10.1093/bib/bbs046>



Transcriptome and Epigenome Platform - Genopole

**Statistical Analysis of RNA-seq data :
Advances and Challenges**

November 26th, 2013
Auditorium Centre François Jacob, Institut Pasteur, Paris

- **2016** : StatOmique devient groupe de travail gdr BiM
- Août 2018 : Poster JOBIM
- 5 novembre 2019 : journée anniversaire 10 ans
- 19 novembre 2020 : première réunion en mode distanciel
- 25 octobre 2022 : 31ème journée d'animation (hors ateliers)

Nous rejoindre

✉ Liste de diffusion (auj. > 100 inscrits)

envoyer un mail depuis votre adresse professionnelle à sympa@agroparistech.fr avec comme objet

SUBSCRIBE statomique Prénom Nom

Les prochaines actions de StatOmique

Printemps 2023 - journée en l'honneur de Denis Laloë

- sur le centre INRAE de Jouy-en-Josas
- analyses intégratives multivariées

Plus tard

On attend vos propositions !

Programme de la journée

10h30 Introduction et tour de table

10h45 **Benchmark of Differential Gene Expression Analysis Methods for Inter-species RNA-Seq Data using a Phylogenetic Simulation Framework** , Paul Bastide, IMAG – UMR 5149

11h45 **ABEILLE: a novel method for ABerrant Expression Identification empLoying machine Learning from RNA-sequencing data.** Justine Labory, Medical Data Laboratory, Université Côte d'Azur

12:10 **Robust deconvolution of transcriptomic samples using the gene covariance structure.** Bastien Chassagnol, Sorbonne Université, LPSM // Les Laboratoires Servier

Pause déjeuner

Programme de la journée

13:45 **Analyse de cribles génétiques CRISPR-Cas9.** Pierre Gestraud, Institut Curie

14:45 **Differential Analysis for RNA-seq using Intensive Randomization.** Dorota Delasaulle, UR 7537 Biostatistique, Traitement et Modélisation des données biologiques, Fac. de Pharmacie, Univ. Paris Cité

15:15 Pause

15:30 **Neglecting normalization impact in semi-synthetic RNA-seq data simulation generates artificial false positives.** Boris Hejblum Inserm U1219 Bordeaux Population Health, Inria BSO, Université de Bordeaux

16:30 Discussion échange autour des pratiques de l'analyse différentielle d'expression de gènes

17:00 Clôture de la journée